



MINISTÉRIO DA EDUCAÇÃO
UNIVERSIDADE FEDERAL DOS VALES DO JEQUITINHONHA E MUCURI
DIAMANTINA – MINAS GERAIS



PRÓ-REITORIA DE GESTÃO DE PESSOAS

INSTRUÇÕES ESPECÍFICAS QUE REGULAMENTAM O CONCURSO PÚBLICO

Estas Instruções Específicas, o Edital nº 66/2017 e a Resolução nº 13 - CONSU, disciplinarão o Concurso Público da classe de Professor Classe A – Adjunto A, não cabendo a qualquer candidato alegar desconhecê-lo.

1. ÁREA DE CONHECIMENTO: MELHORAMENTO ANIMAL, GENÉTICA MOLECULAR E ESTATÍSTICA EXPERIMENTAL

CAMPUS: Diamantina

GRUPO: Magistério Superior

CATEGORIA FUNCIONAL: Professor Ensino Superior

CLASSE: Professor Classe A – Adjunto A

REGIME DE TRABALHO: Dedicção Exclusiva

2. DA TITULAÇÃO

Graduação em Zootecnia ou áreas afins com Doutorado em Zootecnia ou Doutorado em Genética e Melhoramento Animal ou Doutorado em Estatística

3. DO CONTEÚDO PROGRAMÁTICO

1. Genômica Nutricional: Nutrigenômica, Proteômica e Nutrigenética na produção animal;
2. Uso de informações genômicas na avaliação genética de animais de produção; Associação genômica ampla (GWAS) e Seleção genômica;
3. Epigenética e Epigenômica; Expressão e regulação gênica de animais domésticos;
4. Fundamentos, técnicas e aplicações de genética molecular na produção animal;
5. Análise de regressão e correlação em ensaios zootécnicos;
6. Delineamentos e testes de média aplicado em ensaios zootécnicos;
7. Ensaios fatoriais e em parcelas subdivididas;
8. Estimacção de componentes de covariância e de parâmetros genéticos por meio de abordagem Bayesiana e Frequentista;
9. Modelos mistos aplicados ao melhoramento animal;
10. Incorporação de informações genômicas de animais cruzados em programas de melhoramento de animais e raças puras.

Instruções adicionais sobre o concurso público para professor de magistério superior regido pelo Edital Nº 66 de 27 de Abril de 2017, para preenchimento da vaga para área de atuação em *Melhoramento Animal, Genética Molecular e Estatística Experimental*



Conforme item 6.1 deste Edital no que se refere a prova escrita, caso o colegiado de curso defina pela modalidade de prova dissertativa poderão ser elaboradas pela banca examinadora até 3 (três) questões para cada 1 (um) dos 2 (dois) itens sorteados do conteúdo programático definido nas instruções específicas;

Os candidatos terão além do limite máximo de 4 (quatro) horas, também o limite máximo de 6 (seis) folhas (12 laudas) de papel distribuídas pela banca examinadora para realização da prova.

4. SUGESTÕES BIBLIOGRÁFICAS

ALFONSO, L. Use of meta-analysis to combine candidate gene association studies: application to study the relationship between the ESR PvuII polymorphism and sow litter size. **Genetics Selection Evolution**, v.37, p.417-35, 2005.

BANZATTO, D. A., KRONKA, S. N. **Experimentação agrícola**. 4.ed. Jaboticabal: FUNEP. 2006.

BOLFARINE, H., SANDOVAL, M.C. **Introdução à Inferência Estatística**. Rio de Janeiro: SBM, 2002.

CECON, P.R., SILVA, A.R., NASCIMENTO, M., FERREIRA, A. **Métodos Estatísticos: Série Didática**. Viçosa: Editora UFV. 2012.

DOBSON, A.J. **An Introduction to Generalized Linear Models**. 2nd ed., Chapman & Hall, Londres. 2008.

DRAPER, N.R., SMITH, H. **Applied Regression Analysis**. 3th ed., Nova York: John Willey & Sons. 1998.

ELLIOTT, R. & ONG, T.J. **Science, medicine, and the future - Nutritional genomics**. *BMJ*, v.324, p.1438-1442, 2007.

FERREIRA, D. F. **Estatística Básica**. Lavras: Editora UFLA. 2005.

FALCONER, D.S.; MACKAY, T.F.C. **Introduction to quantitative genetics**. 4a Edição, Harlow, Longman Group Limited. 1996. 464p.

GELMAN, A.; CARLIN, J.B.; STERN, H.S., RUBIN, D.B. **Bayesian Data Analysis**. Chapman & Hall, 2013. 654 p.

GRAVES, P.R. & HAYSTEAD, T.A.J. Molecular biologist's guide to proteomics. **Microbiol. Mol. Biol. Rev.**, v.66, p. 39-63, 2002.



- HOCQUETTE, J.F.; LEHNERT, S.; BARENDSE, W. et al. Recent advances in cattle functional genomics and their application to beef quality. **The International Journal of Animal Biosciences**, v.1, p.159-173, 2007.
- HIENDLEDER, S.; BAUERSACHS, S.; BOULESTEIX, A. et al. Functional genomics: tools for improving farm animal health and welfare. **Rev. Sci. Tech. Off. Int. Epiz.**, v.24, n.1, p. 354-377, 2005.
- HENDERSON, C.R. **Application of linear models in animal breeding**. Guelph: University of Guelph. 1984. 423 p.
- LEHNERT, S.A.; BYRNE, K.A.; REVERTE, A. et al. Gene expression profiling of bovine skeletal muscle in response to and during recovery from chronic and severe undernutrition. **J. Anim Sci.**, v.84, p.3239-3250, 2006.
- MONTGOMERY, D.C. **Design and Analysis of Experiments**. 8th ed. Hoboken: Wiley. 2012.
- MRODE, R.A.; THOMPSON, R. **Linear Models for the Prediction of Animal Breeding Values**. Midlothian, UK, CABI Publishing. 2005. 2nd Ed. 344 p.
- MUTCH, D.M.; WAHLI, W.; WILLIAMSON, G. Nutrigenomics and nutrigenetics: the emerging faces of nutrition. **FASEB J.**, v.19, p.1602-16, 2005.
- PEREIRA, J.C.C. **Melhoramento genético aplicado aos animais domésticos**. 6.ed. Belo Horizonte: FEPMVZ -UFMG, 758p., 2012.
- PIMENTEL GOMES, F.P. **Curso de Estatística Experimental**. 14 ed. São Paulo: Nobel. 2000.
- RESENDE, M.D.V.; SILVA, F.F.; LOPES, P.S.; AZEVEDO, C.F. **Seleção genômica ampla (GWS) via modelos mistos (REML/BLUP), inferência Bayesiana (MCMC), regressão aleatória multivariada e estatística espacial**. Viçosa: Universidade Federal de Viçosa/Departamento de Estatística. 2012. 291p.
- SILVA, M.A.; THIÉBAUT, J.T.L.; VALENTE, B.D.; TORRES, R.A.; FARIA, F.J.C. **Modelos lineares aplicados ao melhoramento genético animal**. Belo Horizonte: FEPMVZ Editora, 2008. 378p.
- SONSTEGARD, T.S. & VAN TASSELL, C.P. Bovine genomics update: making a cow jump over the moon. **Genet. Res.**, v.84, p.3-9, 2004.
- SMITH, T.P.L.; GROSSE, W.M.; FREKING, B.A. et al. Sequence evaluation of four pooled-tissue normalized bovine cDNA libraries and construction of a gene index for cattle. **Genome Research**, v.11, p.626-630, 2001.
- VAN VLECK, L.D. **Selection index and introduction to mixed model methods**. Boca Raton, CRC Press, Inc. 1993. 481p.